

## 邁向精準－基因體應用研討會

3/28台北・3/29台中・3/30高雄

隨著定序平台的擴展與精進，愈來愈多的科學研究者利用定序技術進行各種研究，例如 WGS, WES, DGE, Structure Variation 等，在醫學及動植物研究皆有豐碩的成果。基龍米克斯擁有 Sanger Sequence, NGS platforms, PacBio, Pyrosequence 的技術平台，多年來已提供優質服務予全台各研究單位，累積豐富多樣的研究服務經驗。此次的 Users group meeting，我們很榮幸邀請到動植物及人類醫學研究中傑出的研究學者，一同分享經驗及研究成果，誠摯邀請您與我們共襄盛舉。

- 時間：3月28日(星期二) 09:00-15:45
- 地點：喜來登飯店B2祿廳 (台北市忠孝東路一段12號)
- 主題：邁向精準 - 基因體應用研討會
- 議程：

時間	主題	演講者
09:00-09:20	Registration	
09:20-09:30	Opening Remark	基龍米克斯生物科技(股)公司 徐玉君 營運長
09:30-10:10	從基礎研究到精準醫學：Long Read DNA定序技術帶給我們的新啟示	Pacific Biosciences Inc. 錢祖衛 博士
10:10-10:40	Total solution service from basic research to clinical application	基龍米克斯生物科技(股)公司 陳素蓮 經理
10:40-11:00	Break	
11:00-11:40	非模式物種之轉錄體資料探勘	台灣大學生物科技研究所 林詩舜 副教授
11:40-12:20	The genome of <i>C. sp34</i> and <i>P. noxius</i> - two cases of how long reads drastically improve the quality of genome analysis	中央研究院生物多樣性研究中心 蔡怡陞 博士
12:20-13:20	Lunch (B2壽喜廳)	
13:20-14:00	精準醫療夢下的天梯 -- 生物資訊	國立臺灣大學生醫電子與資訊學 研究所 莊曜宇 所長
14:00-14:40	Genomic Profiling in Colon Cancer with Diabetes	台中榮民總醫院 蕭自宏 博士
14:40-14:55	Break	
14:55-15:35	Make way for the next generation: application of epigenome-specific technologies in allergic disease research	衛生福利部臺北醫院 王怡人 博士
15:35-15:45	Conclusion	