

次世代定序分析及轉譯研究研討會

時間：105 年 12 月 19 日(星期一)，9:00-17:00

地點：台中榮民總醫院研究大樓一樓 第二會場

主辦單位：台中榮總 精準醫學研究推動小組 & 健保資料庫中心

報名網址：<https://goo.gl/forms/JU9Rpgsh3IzWBAUY2>

歡迎院內及院外人員踴躍參加

時間	主題	講者
9:00-9:20	報到	
9:20-9:30	長官致詞	
9:30-10:30	講座演講 精準醫學：由數據驅動的生物醫學研究 Precision medicine: a data-driven biomedical research	楊永正老師 陽明大學 生物醫學資訊研究所
10:30-11:00	中場休息 (Coffee break、大合照)	
11:00-11:50	專題演講一 透過免疫基因體、藥物基因體及全基因組關聯分析之策略發展個人化生物標記 Development of personalized bio-signatures for population health through immunogenomic, pharmacogenomic, and genome-wide association studies approaches	柯泰名博士 中央研究院 國家基因體醫學研究中心
11:50-13:00	用餐	
13:00-13:30	科技新知簡介 Liquid biopsy to NGS solution	陳立德先生 QIAGEN
13:30-14:20	專題演講二 基因體資料於肺癌及布魯蓋達症候群之應用 Applications of genomic data in lung cancer and brugada syndrome	盧子彬老師 台灣大學流行病學與預防醫學研究所
14:20-14:40	中場休息 (Coffee break)	
14:40-15:30	專題演講三 高通量快速全面鑑定人類癌症中的非編碼核糖核酸表達功能障礙 Comprehensively identify non-coding RNAs dysfunction in human cancer via high-throughput approach	蔡國旺博士 高雄榮民總醫院 教學研究部
15:30-16:20	專題演講四 利用電腦演算法來建構川崎症診斷模式 Using algorithm to develop a diagnosis model for Kawasaki disease	李松洲博士 高雄長庚紀念醫院 醫學研究發展部
16:20-16:50	科技新知簡介 第三代定序 PacBio 新知應用分享	吳雁韻小姐 基龍米克斯生物科技
16:50-17:00	綜合討論	